

Time of export: 13.05.2024. 08:32:30

Repository: [repozitorij.agr.unizg.hr](https://repozitorij.agr.unizg.hr)

Number of records on this URL: 44

Records exported: 44

Title	URL	Authors	Host item title
Analiza varijabilnosti mitogenoma autohtonih pasmina ovaca Republike Hrvatske		Diab, Filip	
Nasljeđivanje kožnih bolesti konja		Gaura, Ema	
Trofički odnosi pauka u mediteranskim maslinicima i vinogradima analizirani metodom DNA metabarkodiranja		Anđelić Dmitrović, Barbara	
Analiza varijabilnosti mitogenoma zeca ( <i>Lepus europaeus</i> ) u Republici Hrvatskoj		Raić, Lucia	
Genomska karakterizacija hrvatskih izvornih pasmina ovaca		Držaić, Ivana	
Analiza mitogenoma kunića u Republici Hrvatskoj		Brtan, Romeo	
ASD 2022 : book of abstracts			
Procjena strukture populacija goveda na temelju polimorfizma mitogenoma		Turkalj, Katarina	
Validacija i filogenetska klasifikacija mitogenoma goveda iz komercijalnog SNP čipa		Bradić, Leona	
Metode procjene genomskog inbridininga		Čavlović, Filip	
Optimizacija modularnog sustava ekspresijskih vektora za primjenu CRISPR/Cas9 tehnologije u kulturi animalnih stanica		Bračun, Bruno	
Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu pastirskih pasa		Glavaš, Vjeran	
Identifikacija signala pozitivne selekcije u genomu hrvatskih ovaca		Shihabi, Mario	
Darwinova teorija evolucije i selekcija kod životinja		Stergar, Dora	
Procjena DNA ROH segmenata iz simuliranih podataka putem HMM i klasičnih programske paketa		Strelar, Kristina	
Procjena i usporedba raznolikosti različitih populacija kokoši putem genomske informacije		Jurić, Tea	
Usporedba metoda procjene inbreedinga iz DNA ROH segmenata kod kokoši		Bošković, Boško	

Genetska varijabilnost kraškog ovčara, tornjaka, šarplaninca i tibetskog terijera	Janeš, Mateja	
Analiza varijabilnosti cijelog mitogenoma koze	Radović, Lara	
Procjena DNA ROH segmenta pomoću metode skrivenog Markovljevog modela	Katić, Iva	
Procjena efektivne veličine populacije iz vezanih i nevezanih gena	Došen, Valentina	
Procjena genetske korelacije između binarne i normalne variable koristeći GLIMMIX SAS proceduru	Ćosić, Mateja	
Provjera procjene efektivne veličine populacije putem simuliranih genomske podataka	Soro, Filip	
Provjera točnosti određivanja faze haplotipa putem simuliranih genomske podataka	Glunčić, Tea	
Utjecaj štetnih mutacija u uzgoju mlječnih goveda s osvrtom na APAF1 gen	Popijač, Vedrana	
Segmenti mitohondrijske DNA u genomu stanične jezgre goveda	Andjel, Lucija	
Utjecaj mitogenoma na svojstva mlječnosti goveda	Brajković, Vladimir	
Nasljedne bolesti uzrokovane mutacijama u mitogenomu goveda	Begić, Zdravko	
Forenzička analiza pasminske pripadnosti na temelju sekvene mitogenoma pasa	Cerovec, Kristina	
Vizualizacija "Runs of Homozygosity" DNA segmenata	Hrženjak, Marko	
Značaj gena glavnog sustava tkivne podudarnosti preživača	Zelko, Krunoslav	
Povijest, sadašnjost i izazovi procjene aditivne varijance	Jašinski, Martina	
Uloga PRDM9 gena u procesu rekombinacije DNA	Matijević, Magdalena	
Detekcija visoko heterozigotnih regija u genomu goveda	Mercvajler, Mario	
Geografska raspodjela genetske raznolikosti istočno-jadranskih i zapadno-dinarskih pasmina ovaca	Banadinović, Maja	
Geografska raznolikost mitohondrijske DNA smeđeg medvjeda ( <i>Ursus arctos</i> )	Janeš, Jakob	
Varijabilnost mitohondrijske DNA goveda	Duvnjak, Ivana	
Genomska procjena inbridinga na temelju markera spolnih kromosoma	Šantek, Martina	
Procjena genetskih parametara binomne variable koristeći GLIMMIX SAS proceduru	Matanović, Sara	
Utjecaj veličine uzorka na procjenu "linkage disequilibrium" efektivne veličine u populacijama goveda	Karapandža, Nina	
Genomska analiza nasljeđivanja displazije kukova čistokrvnih pasmina pasa	Andjel, Lucija	
Genetička varijabilnost divljeg kunića ( <i>O.cuniculus</i> ) u Republici Hrvatskoj	Kaštelanac, Ivan	

Genetička varijabilnost zeca ( <i>L. europeus</i> ) u Republici Hrvatskoj		Beljan, Silvestar	
Molecular dissection of inbreeding depression for semen quality traits in cattle		Ferenčaković, Maja	